

CONCORSO PUBBLICO, PER ESAMI, PER LA COPERTURA DI N. 1 POSTO DI CATEGORIA D, POSIZIONE ECONOMICA D1, AREA TECNICO SCIENTIFICA ED ELABORAZIONE DATI, CON RAPPORTO DI LAVORO SUBORDINATO A TEMPO PIENO E INDETERMINATO, PER LE ESIGENZE DEL DIPARTIMENTO DI SCIENZE DEGLI ALIMENTI E DEL FARMACO

Cod. Rif. 2023ptaD014

TRACCIA N. 1

- a) Come si effettua la determinazione della carica microbica totale di un campione?
- b) Descrivere il formato FASTA e il suo utilizzo in bioinformatica.
- c) Descrivere le caratteristiche dell'analisi metagenomica "shotgun" e le possibili applicazioni nelle biotecnologie.

ALLEGATO 3

CONCORSO PUBBLICO, PER ESAMI, PER LA COPERTURA DI N. 1 POSTO DI CATEGORIA D, POSIZIONE ECONOMICA D1, AREA TECNICO SCIENTIFICA ED ELABORAZIONE DATI, CON RAPPORTO DI LAVORO SUBORDINATO A TEMPO PIENO E INDETERMINATO, PER LE ESIGENZE DEL DIPARTIMENTO DI SCIENZE DEGLI ALIMENTI E DEL FARMACO

Cod. Rif. 2023ptaD014

TRACCIA N. 2

- a) Quali sono i principali metodi per l'estrazione del DNA batterico?
- b) Quali metodi bioinformatici è possibile utilizzare per l'identificazione dei microrganismi?
- c) Descrivere le principali applicazioni del sequenziamento next generation allo studio degli ecosistemi microbici.

CONCORSO PUBBLICO, PER ESAMI, PER LA COPERTURA DI N. 1 POSTO DI CATEGORIA D, POSIZIONE ECONOMICA D1, AREA TECNICO SCIENTIFICA ED ELABORAZIONE DATI, CON RAPPORTO DI LAVORO SUBORDINATO A TEMPO PIENO E INDETERMINATO, PER LE ESIGENZE DEL DIPARTIMENTO DI SCIENZE DEGLI ALIMENTI E DEL FARMACO

Cod. Rif. 2023ptaD014

TRACCIA N. 3

- a) Descrivere la procedura per ottenere una coltura batterica pura.
- b) Qual è la differenza tra il formato FASTA ed il formato FASTQ e il loro utilizzo in bioinformatica?
- c) Quali informazioni è possibile ottenere dall'analisi di un genoma microbico?

